

(4)交叉：基本的には次のようにな2つの交叉を用いた。

①交叉CA（例では交叉区間3～5）

親A 4 7 |2 6 3| 9 8 1 5 → 子A 4 3 |5 7 6| 9 8 1 2
 親B 8 1 |5 7 6| 2 9 3 4 → 子B 8 1 |2 6 3| 5 9 7 4

②交叉CB：標準リストを利用し、参照表現に代えて、交叉を行うものである（例では交叉区間3～5）。

親A 4 7 |2 6 3| 9 8 1 5 → 子A 4 7 |5 8 6| 9 3 1 2
 親B 8 1 |5 7 6| 2 9 3 4 → 子B 8 1 |3 5 4| 2 9 6 7

(5)突然変異：転座と逆位の二つを用いた。

①転座：これは染色体の位置を入れ替えるもので、例として、区間3～4と区間6～7の転座を示す。

4 7 |2 6| 3| 9 8| 1 5 → 4 7 |9 8| 3 |2 6| 1 5

②逆位：これは区間の染色体の順番を逆にするもので、区間3～6の場合の逆位の一例を次に示す。

4 7 |2 6 3 9| 8 1 5 → 4 7 |9 3 6 2| 8 1 5

以上、選択と交叉、突然変異を繰り返して、最小時間のごみ収集輸送順序を求めた。

4. モデルへの適用と解の検討

最大積載量が1800kgの収集車1台でゴミを処理場まで収集輸送するときの最小時間の解を表-1に示す。また、その解が得られる経過の一例を図-2に示す。作業数は12となり、収集車1台での全収集輸送時間は2071分となった。表-1より、各作業の集積所は互いに近くにあり、一部を除けば最大積載量またはその近くのごみ量となっており、最適解が得られていると考えられる。

次に複数の収集車で輸送する場合について、収集車の稼働時間を7.5時間/日とすると、収集車の台数は5台となる。12の作業を3,3,2,2,2の作業振り分け、各収集車の稼働時間ができるだけ等しくなるようにした。その結果を表-2に示す。なお、作業番号は表-1に示した番号である。

以上の解は、交叉を用いず、突然変異の転座と逆位を組み合わせた時に得られた。これは細胞の増殖過程をモデル化した遺伝的アルゴリズムとなっている。

5. むすび

効率的なごみ収集輸送の算定に動的計画法と遺伝的アルゴリズムを組み合わせた手法を提示し、ほぼ最適解と思われる解が得られた。

表-1 収集車1台のときの最小時間

収集作業 番号	最大積載量1800kg			積載量 kg	時間 min
	順序1	順序2	順序3		
1	7	6	-	1800	253
2	27	18	-	1400	175
3	22	26	-	1600	86
4	9	8	-	1700	206
5	23	24	25	1700	116
6	13	14	20	1700	176
7	11	5	10	1700	192
8	16	15	17	1800	155
9	30	29	-	1800	72
10	4	3	-	1800	220
11	12	1	2	1800	280
12	28	19	21	1700	140
				20500	2071

表-2 収集作業の割り振り

収集車	最大積載量1800kg			時間 min
	作業1	作業2	作業3	
1	3	4	5	408
2	2	6	9	423
3	11	12	-	420
4	1	8	-	408
5	7	10	-	412
				2071

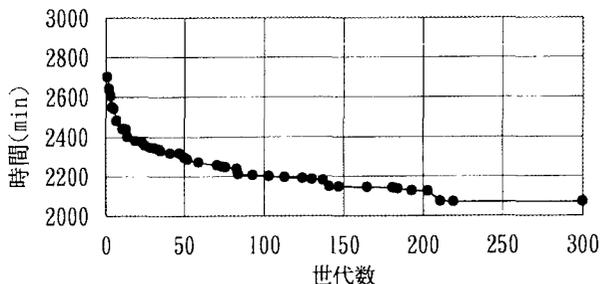


図-2 ごみ収集輸送時間の世代変化