### <u>1. はじめに</u>

古くから硝化細菌群の最大比増殖速度 µ<sub>A</sub>は、下水処理施 設ごとにばらつきがあることが知られている。µ<sub>A</sub>は、活性 汚泥モデルのパラメータとして組み込まれているが、窒素 濃度の予測に非常に寄与が高いことから、煩雑なキャリブ レーション作業の簡易化を図るためにも、その要因を定量 化してモデルにフィードバックすることが望まれる。

筆者らは、下廃水処理施設を対象として、長期間にわた りアンモニア酸化細菌群、亜硝酸酸化細菌群(*Nitrospira*、 *Nitorobacter*)の細胞数を測定して、細胞数あたりの最大ア ンモニア酸化速度、最大亜硝酸酸化速度の変動を調べてき た<sup>1)</sup>。その結果、流入窒素負荷と対応して変動することが わかってきた。つまり、未知だった変動要因を探索する手 掛かりを見出すことができた。

本研究では、硝化反応のなかでも亜硝酸酸化に着目した。 長期間にわたり亜硝酸基質で好気 SBR 運転を行い、亜硝酸 酸化細菌群の集積汚泥を得た。それを用いて、まず、人為 的に亜硝酸負荷を変えたときに、これに応じて細胞数あた りの最大亜硝酸酸化速度や呼吸活性も変化することを確認 した。次に、亜硝酸負荷を高くして運転し、細胞数あたり の最大亜硝酸酸化速度の時間変動を調べた。そして、累積 の亜硝酸酸化量に着目して、変動要因についても検討した。

## <u>2. 方法</u>

### (1) 好気 SBR 運転

火力発電所の廃水処理施設<sup>1)</sup>(窒素負荷 = 0.10kg-N/m<sup>3</sup>.day)の活性汚泥を 6L-SBR に植種した。そして、
pHを7.0に調整した亜硝酸基質3Lを、サイクル初期10分

山梨大学大学院	(学)	辻	幸志	(正)	藤田昌	史
神鋼環境ソリューション		山丁	「哲生		赤司	昭

間で負荷が 0.2kg-N/m<sup>3</sup>.day となるように流入させた。この流入時間を含めて、曝気工程 5 時間、沈殿・排水 1 時間、合計 6 時間の好気 SBR 運転を行った。水温 20℃、SRT20 日に設定した。

### (2) Real-time PCR

既報<sup>1)</sup> にしたがって、*Nitrobacter* については SYBR Green 法、*Nitrospira*、EUB については TaqMan probe 法により、そ れぞれのコピー数を測定した。いずれの測定でも、同時に 採取した 2 試料から別々に DNA 抽出を行い、Real-time PCR を各 3 回行ったことから、n = 6の平均コピー数を代表値と した。*Nitrobacter、Nitrospira* については、ひとつの細胞が 1 コピー<sup>2)</sup>、EUB については平均 3.6 コピー<sup>3)</sup> を持つと仮定 して、それぞれの細胞数を算出した。

#### (3) 亜硝酸負荷を変えた亜硝酸酸化実験

表-1 に示したように、2 つの実験(Exp. 1、Exp. 2)を行ったが、それぞれ好気 SBR における 132 日目と 226 日目の 集積汚泥を用いた。

Exp. 1 では、2 本の IL メスシリンダーに汚泥 0.8L をそれ ぞれ入れて、一方は亜硝酸負荷が 0.1kg-N/m<sup>3</sup>.day (Run B)、 他方は 0.4kg-N/m<sup>3</sup>.day (Run C) となるように調整して、サ イクル 12 時間(流入・曝気:沈殿・排水 = 11:1 時間、初 期 1 分で亜硝酸基質 0.4L を流入)で 2 サイクル運転した。 そして、対照系 (Run A) として集積汚泥も含めて、後述す る好気回分活性試験とキノン分析に供した。

Exp.2では、3本の IL メスシリンダーに汚泥 0.8L をそれ ぞれ入れて、亜硝酸負荷が 0.4kg-N/m<sup>3</sup>.day となるように調整 した。そして、サイクル6時間(流入・曝気:沈殿・排水 = 5:1時間、初期1分で亜硝酸基質 0.4L を流入)で、それぞ

表-1 亜硝酸負荷を変えた亜硝酸酸化実験の条件

Exp. R	Dun	Operation mode Operation cycle		NO <sub>2</sub> -N Loading		
	Rull	(hr)	(time)	(kg-N/m³.day)		
	A (control)			0.2		
1	В	44 - 4 <sup>*)</sup>	ວ	0.1		
	С	11:1 /	2	0.4		
2		5 : 1 *)	4	0.4		
*) Aeration : Settling and Discharge						

キーワード: Nitorobacter、Nitrospira、Real-time PCR、最大亜硝酸酸化速度、累積亜硝酸酸化量

〒400-8511 山梨県甲府市武田 4-3-11 Tel: 055-220-8725 E-mail: mfujita@yamanashi.ac.jp 藤田昌史

れ1、2、4 サイクル運転した。集積汚泥も含めて、速やか に後述する好気回分活性試験に供した。

### (4) 好気回分活性試験

採取した汚泥に、十分量の亜硝酸ナトリウムを加えた。 その後、pH7.0、水温 20℃に調整して、撹拌と曝気を行い、 試験を開始した。そして、定刻毎に採水して、亜硝酸濃度 を分析した。ここでは、亜硝酸濃度が直線的に減少した部 分に着目して、最大亜硝酸酸化速度を算出した<sup>1)</sup>。

### (5) キノン分析

キノンとは、微生物の電子伝達鎖に存在し、水素キャリ アーとして機能する補酵素である。Exp. 1 で優占していた *Nitorobacter* は、Q-10 を含有することが知られている<sup>4)</sup>。汚 泥混合液 150mL をガラス繊維ろ紙( $\phi = 0.3 \mu m$ )を用いて ろ過し、得られたろ過残渣物を分析に供した。キノンの抽 出には、複数の有機溶媒による抽出、固相抽出カートリッ ジによる分離・精製を経て、HPLC により同定・定量した<sup>5)</sup>。

### 3. 結果および考察

# (1) 亜硝酸酸化実験に用いた集積汚泥の Nitorobacter、 Nitrospira、EUB の細胞数

好気 SBR の運転を開始してから 60 日目までは、曝気工 程終了時に亜硝酸が残存していたが、その後、流入した亜 硝酸は、すべて酸化されるようになった。

Exp. 1 で用いた集積汚泥の Nitrobacter、Nitrospira、EUB は、それぞれ  $3.8 \times 10^{10} \pm 1.5 \times 10^9$  cell/L、 $4.5 \times 10^8 \pm 1.1 \times 10^7$  cell/L、  $4.8 \times 10^{11} \pm 1.9 \times 10^{10}$  cell/L であった。Nitrospira の細胞数が Nitrobacter の細胞数の 1%程度であったことから、このとき の亜硝酸酸化反応は、主として Nitrobacter が担っていたと 考えられる。また、EUB に占める Nitrobacter の割合は、79% であった。

一方、Exp. 2 で用いた集積汚泥の Nitrobacter、Nitrospira、 EUB は、それぞれ  $7.7 \times 10^{10} \pm 4.7 \times 10^{9}$  cell/L、 $3.4 \times 10^{10} \pm 6.8 \times 10^{9}$  cell/L、 $2.1 \times 10^{11} \pm 2.7 \times 10^{10}$  cell/L であった。Nitrobacter、 Nitrospira の細胞数は、それぞれ EUB の 37%、16% であった ことから、このときには、Nitrobacter に加えて Nitrospira (以 下、両者を NOB) も亜硝酸酸化に寄与していたものと考え られる。

# (2) 亜硝酸負荷を増減させたときの細胞数あたりの最大亜 硝酸酸化速度と Q-10 (Exp. 1)

## a)細胞数あたりの最大亜硝酸酸化速度

**図-1**(a)に示したように、Run A(対照系)の最大亜硝酸 酸化速度は 0.72mmol/L.hr であった。亜硝酸負荷を下げた Run B では 24 時間後に 0.59mmol/L.hr にまで低下し、逆に



図-1 最大亜硝酸酸化速度、Nitrobacterの細胞数、細胞数 あたりの最大亜硝酸酸化速度(Exp. 1)

負荷を上げた Run C では 0.91mmol/L.hr にまで上昇した。こ の間、*Nitorobacter*の細胞数はほとんど変化しなかったこと から(図-1 (b))、細胞数あたりの最大亜硝酸酸化速度も同 様の傾向を示していた(図-1 (c))。したがって、下廃水処 理施設で観察されたように、本実験においても、亜硝酸負 荷の増減に応じて、細胞数あたりの最大亜硝酸酸化速度も 変動した。

### b) 細胞数あたりの Q-10

図-2に示したように、細胞数あたりのQ-10は、RunAでは0.30fmol/cellであった。一方、RunBでは0.27fmol/cellに減少していたのに対し、RunCでは逆に0.36fmol/cellに増加していた。この結果を、亜硝酸負荷の増減に応じて、 Nitrobacter 一細胞の呼吸活性も連動して増減したと解釈すると、次のような仮説が想定される。すなわち、このように一細胞あたりの呼吸活性に違いが見られたということは、それまでに得られたエネルギーに違いがあったはずである



図-2 細胞数あたりの Q-10

ことから、一細胞がそれまでに酸化した亜硝酸量が関係するものと考えられる。

(3) 細胞数あたりの累積の亜硝酸酸化量と最大亜硝酸酸化 速度の関係(Exp.2)

a) 亜硝酸酸化量の推移

各サイクルの亜硝酸酸化量と亜硝酸残存量を積み上げて 示した(図-3)。好気 SBR の1サイクルにおける亜硝酸酸化 量は、2.9mmol-N である。負荷を2倍にしたことで、1サイ クル目の亜硝酸酸化量は4.3mmol-N と高くなったが、すべ て酸化することはできなかった。2サイクル目ではそれほど 変化はなかったが、3サイクル目では5.4mmol-N、4サイク ル目では5.7mmol-N に達し、投入した亜硝酸がほとんどす べて酸化されるまでに至った。

# b)細胞数あたりの最大亜硝酸酸化速度の推移

図-4 (a) に示したように、実験開始時の最大亜硝酸酸化速度は 1.4mmol-N/L.hr であった。亜硝酸負荷を 2 倍に上げてから 5 時間後では、ほとんど変わらなかったが、11 時間、23 時間後では、それぞれ 1.6mmol-N/L.hr、1.8mmol-N/L.hr にまで増加した。したがって、上述した累積亜硝酸酸化量と同様の傾向を示した。この間、NOBの細胞数は、ほとん







あたりの最大亜硝酸酸化速度(Exp. 2)

ど変化しなかったことから(図-4(b))、細胞数あたりの最 大亜硝酸酸化速度も、同様の増加傾向を示した(図-4(c))。 ここで、実験開始時を基準として、負荷を上げたことによ る細胞数あたりの累積亜硝酸酸化量の増分と細胞数あたり



図-5 細胞数あたりの累積亜硝酸酸化量の増分と最大 亜硝酸酸化速度の増加量の関係

の最大亜硝酸酸化速度の増加量との関係を図-5 に示した。 実験開始から5時間、11時間における細胞数あたりの累積 亜硝酸酸化量の増分は、それぞれ20fmol/cell程度であった にも係わらず、細胞数あたりの最大亜硝酸酸化速度の増加 量は明らかに11時間の方が多かった。細胞数あたりの最大 亜硝酸酸化速度が増加するためには、細胞数あたりの累積 亜硝酸酸化量がある閾値を超す必要があると推測される。 本実験条件においては、少なくとも40fmol/cell程度の細胞 数あたりの累積亜硝酸酸化量の増加が必要であった。ただ し、前述したように、本実験では、NOBとして、Nitrobacter、 Nitrospira が含まれていることから、今後、両者をわけて評 価することが課題となる。

### <u>4. まとめ</u>

亜硝酸基質で集積した汚泥を用いて、亜硝酸負荷を増減 させたところ、細胞数あたりの最大亜硝酸酸化速度や呼吸 活性も連動して増減した。これは、一細胞がそれまでに酸 化した亜硝酸量に関係するものと考えられたことから、次 に、亜硝酸負荷を上げて実験を行い、この負荷の増分にと もなう一細胞あたりの累積亜硝酸酸化量の増分と亜硝酸酸 化速度との関係を調べた。その結果、細胞数あたりの最大 亜硝酸酸化速度が増加するためには、細胞数あたりの累積 亜硝酸酸化量がある閾値を超す必要があると推測され、こ こでは少なくとも40fmol/cell 程度と見積もられた。

## 参考文献

- 1) 藤田:水環境学会誌, Vol. 31, No. 1, pp. 17-20, 2008.
- Aakra, A., Utaker, J. B. and Nes, I. F., : *Int. J. Sys. Bacteriol.*, Vol. 49, pp. 123–130, 1999.
- Klappenbach, J. A., Saxman, P. R., Cole, J. R. and Schmidt, T. M., : *Nucleic Acids Res.*, Vol. 29, No. 1, pp. 181–184, 2001.
- Collins, D. M. and Jones, D., : *Microbiol. Rev.*, Vol. 45, No. 2, pp. 316–354, 1981.
- 5) 今井ら:第17回廃棄物学会研究発表会講演論文集,pp. 996–998, 2006.