

16SrRNAターゲットFISH法によるUASBグラニュール内のメタン菌の定量

長岡技術科学大学 学生員 大関弘和、正会員 原田秀樹、大橋晶良、珠坪一晃、学生員 関口勇地

1.はじめに

UASBリアクターは高濃度の産業廃水処理に対して広く普及しているが、低濃度の都市下水処理への適用に関する研究も進められている。UASB内に保持されている嫌気性微生物群から成るグラニュールの生態は、走査型電子顕微鏡観察等により明らかにされている事も多いが、グラニュール内の菌叢の構成比などは未だに知見が乏しい。このため新規のツールを用いて、グラニュールの生態学的構造を解明する必要がある。

近年、菌種に共通な16SrRNA遺伝子内のある特異的な配列をハイブリダイズする遺伝子プローブを用いたFISH(Fluorescent In Situ Hybridization)法が開発されており、細菌内の16SrRNA遺伝子とハイブリダイズさせた後の蛍光の有無を調べることにより、細菌の種の同定や定量化ができる。

本研究では、遺伝子工学的手法のFISH法を用いて各種の下・廃水処理UASBリアクター内のグラニュール汚泥のArchaeaと*Methanosaeta*を定量化すると共に、メタン菌量とメタン生成活性との関係について調べた。

2.実験方法

2.1 微生物試料

実験に使用したUASBグラニュールは本研究室で培養している5種類で、その他、比較のために消化汚泥も調べた。Table1には、使用した汚泥の培養温度、容積負荷、全メタン生成活性(酢酸および水素を基質としたメタン生成活性の合計)、酢酸を基質としたメタン生成活性を示した。

Table 1 Operating conditions of UASB reactors

Granule	Symbol	Temp (°C)	Loading (KgCOD/m ³ /d)	Total Activities (gCOD/gVSS/d)	Acetato Activities (gCOD/gVSS/d)
Thermophilic (Alcohol distillery)	×	55	100.0	19.00	3.0
Thermophilic (Sucrose)	▲	55	23.0	8.00	2.0
Mesophilic (Sucrose)	✖	35	7.8	3.20	2.4
Mesophilic (Milk)	●	35	4.8	2.90	1.4
Digester sludge	△	30	1.0	0.25	0.1
Sewage UASB	■	20	1.5	0.28	0.1

2.2 In Situ ハイブリダイゼイション法

FISH法に用いたDNAプローブは2種類で、ArchaeaをターゲットとするArch915(3'TCCTTAACCGCCCCCTCGTG5')、*Methanosaeta*に特異的にハイブリダイズするMT757(3'GUUCCCUGCUUUCGAUCC 5')を用いた。それぞれ5'末端に蛍光標識としてテトラメチルローダミンを付加した。

ハイブリダイゼイション法は、Amann¹⁾の方法に準拠した。まず、微生物試料を4%パラホルムアルデヒド溶液(4%パラホルムアルデヒド、390mM PBS buffer、4°C、5hr)で固定し、ホモジナイズおよび超音波処理して試料を分散させ、ゼラチンコートしたスライドグラス上に分散試料8μLを滴下し、室温乾燥した後にエタノール脱水を施した。次にArchaeaの場合、Hybridization buffer 8μL(0.9M NaCl、20mMTris-HCl pH7.2、0.01%SDS、FA30%)とArch915プローブ1μLを滴下してハイブリダイズさせ、*Methanosaeta*の場合にはHybridization buffer 8μL(0.9M NaCl、20mM+Tris-HCl pH7.2、0.01%SDS、FA 20%)とMT757プローブを滴下しハイブリダイズした。両プローブともハイブリダイズ条件は46°C、2hrで、洗浄は48°C、20minである。洗浄後DAPIで2重染色し、落射蛍光顕微鏡により観察・写真撮影して、全菌数に対するArchaeaあるいは*Methanosaeta*

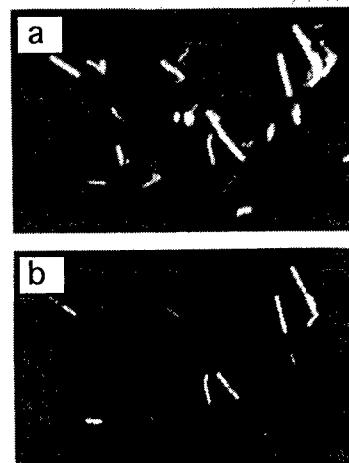


Fig. 1 Fluorescence micrographs of granular sludge (a) dyed with DAPI and (b) hybridized by Arch915 probe labeled with rhodamine.

キーワード：FISH法、DNAプローブ、UASBグラニュール、メタン生成活性、古細菌

〒940-21 新潟県長岡市上富岡町1603-1 長岡技術科学大学 水圈環境工学研究室 Tel : 0258(46)6000 (内)6313

の割合を画像解析により求めた。なお全菌数は、微生物試料をフィルター上に集菌しDAPI染色により別途求めた。

2.3 生菌及び死滅菌の測定

UASBグラニュール内微生物のLive/Dead測定は、Molecular Probes社のL-7007 LIVE/DEAD kitを用いた。このkitで染色された細菌は、蛍光顕微鏡下で生菌は緑色、死滅菌は赤色の蛍光を発するため、画像解析により生菌割合を容易に算出することができる。

3. 実験結果及び考察

Fig.1にFISH法による蛍光顕微鏡観察の一例（Sucrose基質で培養した高温グラニュール）を示す。2枚の写真は同一視野上のもので、(a)はDAPI、(b)はArch915プローブのテトラメチルローダミン蛍光であり、(b)で観察された細菌がArchaeaを示し、(a)の細菌で(b)には見られなかった細菌が非Archaeaを意味する。従って、全菌数に対するArchaea数の割合を画像解析より算出できる。Fig.2に6種類の汚泥の全菌数に対するArchaea及びMethanosaetaの存在率を示した。Archaeaの存在率は、約40～60%の範囲であり、Methanosaetaの存在率は約20～40%の範囲にある。このことから、グラニュールは消化汚泥と同様に約半分がArchaeaで占められていることが分かる。ただし、ArchaeaとMethanosaetaの存在率は容積負荷やメタン生成活性との明瞭な関係は見られず、基質は加水分解、酸生成、メタンへと転換されるため、基質組成に強く影響されると推測される。

Fig.3にVSS当りのArchaea数と全メタン生成活性の関係を示した。Archaea数と全メタン生成活性は正の関係が見られ、全メタン生成活性はArchaea量に依存することが分かる。また、VSS当りのMethanosaeta数と酢酸資化メタン生成活性との関係をFig.4に示すように、Methanosaeta量もArchaeaと同様に酢酸資化メタン生成活性に影響を及ぼすことが分かる。Fig.5はグラニュール内の生菌割合と基質容積負荷の関係を示している。基質高負荷ではグラニュール深部まで基質が浸透しやすくなると考えられるため、負荷が高いと生菌の割合が大きくなっている。

以上の結果より、グラニュール内の菌叢の構成比は基質組成に依存し、一方、メタン菌量はメタン生成活性と強い関係にあると考えられる。

4. おわりに

FISH法によってグラニュール内のArchaea及びMethanosaetaを評価することは可能であったが、グラニュールの生態学的構造や機能を解明するためには、*Methanobacterium*及び*Methanosarcina*等の定量も重要と考えられる。

5. 参考文献

- Amann.R.I (1995) : Molecular Microbial ecology Manual, 3.3.6. 1-15, Kluwer Academic Publishers.

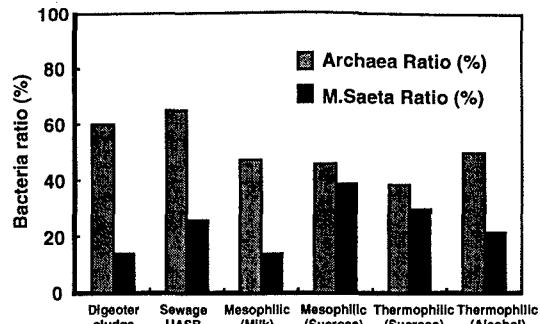


Fig.2 Archaea and M.saeta ratio on granular sludge.

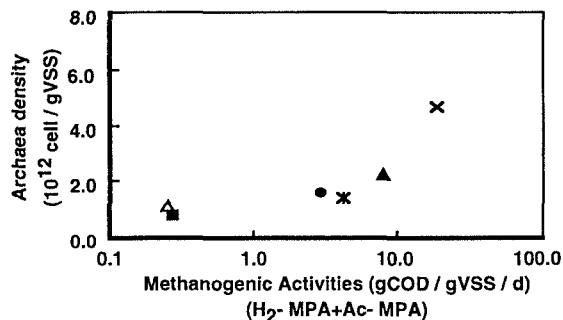


Fig.3 Relationship between Archaea density (Archaea cell number / VSS) and Methanogenic activities on granular sludge. Symbols are indicated in Table 1.

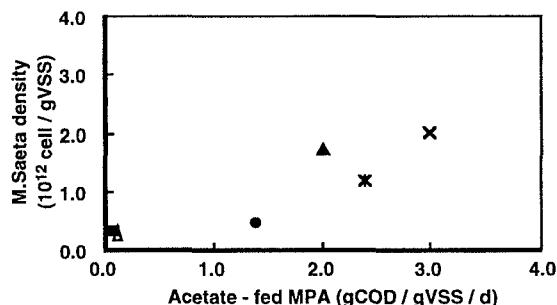


Fig.4 Relationship between M.saeta density (M.saeta cell number / VSS) and Methanogenic Activities on granular sludge. Symbols are indicated in Table 1.

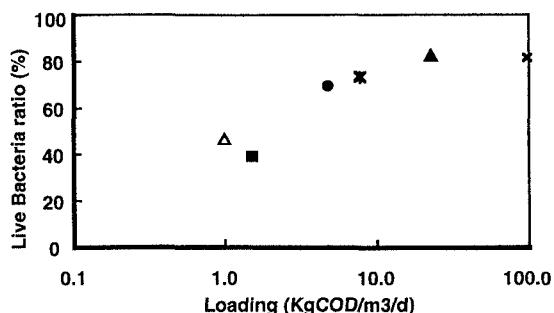


Fig.5 Relationship between Live Bacteria ratio and Loading. Symbols are indicated in Table 1.